



# บันทึกข้อความ

|                                    |
|------------------------------------|
| สำนักวิจัยและพัฒนาการเกษตรเขตที่ ๔ |
| รับที่.....                        |
| วันที่ ๒๑ / ๕ / ๒๕๖๒               |
| เวลา..... ๑๒.๐๖ น.                 |

ส่วนราชการ สำนักวิจัยพัฒนาเทคโนโลยีชีวภาพ ฝ่ายบริหารทั่วไป โทร. ๐ ๒๕๐๔ ๖๘๘๕ ต่อ ๔๐๒

ที่ กษ ๐๙๑๕/ อ. ๖๙๗/๕ วันที่ ๒๐ มิถุนายน ๒๕๖๒

*[Handwritten signature]*

เรื่อง แจ้งเวียนบทคัดย่อผลงานทางวิชาการเพื่อตรวจสอบ

เรียน ผอ.กอง / สถาบัน / สำนัก / ศทส. / สวพ. ๑-๘

ด้วย นางปิยรัตน์ ธรรมกิจวัฒน์ นักวิชาการเกษตรชำนาญการพิเศษ ตำแหน่งเลขที่ ๑๐๒๙ กลุ่มวิจัยพัฒนาการตรวจสอบพืชและจุลินทรีย์ดัดแปรพันธุกรรม สำนักวิจัยพัฒนาเทคโนโลยีชีวภาพ มีความประสงค์จะเข้ารับการคัดเลือกประเมินผลงานเข้าดำรงตำแหน่งผู้เชี่ยวชาญด้านเทคโนโลยีชีวภาพทางการเกษตร (นักวิชาการเกษตรเชี่ยวชาญ ตำแหน่งเลขที่ ๑๐๑๒) สำนักวิจัยพัฒนาเทคโนโลยีชีวภาพ จึงขอส่งบทคัดย่อผลงานทางวิชาการเพื่อพิจารณาตรวจสอบ จำนวน ๓ เรื่อง ดังนี้

๑. การพัฒนาเทคนิค Multiplex Real-time PCR ตรวจสอบคัดกรองพืชดัดแปลงพันธุกรรมเชิงคุณภาพ ได้มาตรฐาน ISO/IEC 17025 เพิ่มประสิทธิภาพกระบวนการตรวจวิเคราะห์
๒. การพัฒนาวิธีตรวจสอบพืชดัดแปลงพันธุกรรมภาคสนามด้วยเทคนิค Loop-Mediated Isothermal Amplification
๓. การพัฒนาชุดตรวจสอบโปรตีน Cry1Ab ในข้าวโพดดัดแปลงพันธุกรรม

จึงเรียนมาเพื่อโปรดพิจารณา และแจ้งให้นักวิชาการในสังกัดทราบ ทั้งนี้ หากไม่ตอบกลับมา ภายในวันที่ ๘ กรกฎาคม ๒๕๖๒ จะถือว่าไม่มีผู้ใดคัดค้าน สำนักวิจัยพัฒนาเทคโนโลยีชีวภาพ จะนำผลงานดังกล่าวเสนอเข้ารับการประเมินต่อไป

*[Handwritten signature]*

(นายคณัย นาคประเสริฐ)

ผู้อำนวยการสำนักวิจัยพัฒนาเทคโนโลยีชีวภาพ

ที่ กษ.๐๙๒๐/..... ๑ ๑๕๖๕

เรียน ผอ.สวพ.๔/ผชช./ผอ.ศวพ./ศพก./ผอ.กลุ่ม.....

- เพื่อโปรดทราบ
- เพื่อโปรดทราบและถือปฏิบัติ
- เพื่อโปรดทราบและดำเนินการ
- เพื่อโปรดพิจารณาดำเนินการ
- ข้อเสนอแนะ.....

*[Handwritten signature]*  
(นายบุญชู สายธนู)

ผู้อำนวยการกลุ่มประสานและบริหารนโยบาย รักษาราชการแทน  
ผู้อำนวยการสำนักวิจัยและพัฒนาการเกษตรเขตที่ ๔

ส่งผ่านระบบงานสารบรรณอิเล็กทรอนิกส์

กล่องสี่มุม

รับในระบบ  
วันที่ ๒๑ มิ.ย. ๒๕๖๒ เวลา ๑๒-๑๐ น.

การพัฒนาเทคนิค Multiplex Real-time PCR ตรวจคัดกรองพืชตัดแปลงพันธุกรรมเชิงคุณภาพ  
ได้มาตรฐาน ISO/IEC 17025 เพิ่มประสิทธิภาพกระบวนการตรวจวิเคราะห์  
Development Multiplex Real-time PCR Method for Qualitative Screening of Genetically  
Modified Commodity, Accredited ISO/IEC 17025 and Improved the Analysis Service Process  
ปิยรัตน์ ธรรมกิจวัฒน์<sup>1</sup> ปิยนุช ศรชัย<sup>1</sup> รัฐิรัตน์ อัครวมงคลศิริ<sup>1</sup> วีระศักดิ์ พิทักษ์ศฤงคาร<sup>1</sup> พงศกร สรรค์วิทยากุล<sup>1</sup>

บทคัดย่อ

การตรวจวิเคราะห์พืชและสินค้าพืชตัดแปลงพันธุกรรม เป็นการดำเนินงานตามข้อกำหนดของประเทศ คู่ค้าที่ใช้เป็นเงื่อนไขนำเข้า ตรวจวิเคราะห์โดยห้องปฏิบัติการที่ได้รับการรับรองมาตรฐาน ISO/IEC 17025 กระบวนการตรวจวิเคราะห์ในห้องปฏิบัติการเดิมใช้วิธี PCR ร่วมกับ Simplex Real-Time PCR ในการตรวจยืนยัน จำเพาะพืชเพื่อควบคุมคุณภาพ จากนั้นตรวจยืนยันคัดกรองที่ตัดต่อเข้าสู่พืชตัดแปลงพันธุกรรม ทั้งกระบวนการ ใช้ระยะเวลารวม 12 วันทำการหรือมากกว่า งานวิจัยนี้จึงมีวัตถุประสงค์เพื่อพัฒนาวิธี Multiplex Real-time PCR ในการตรวจวิเคราะห์ทั้งสามยืนยันในปฏิกิริยาเดียวกัน ประกอบด้วยยีน CaMV 35S promoter Nos terminator และยีนจำเพาะพืช (*hmg* ในข้าวโพด และ *lectin* ในถั่วเหลือง) โดยใช้ไพรเมอร์และโพรบอ้างอิงจาก ISO/IEC 21569:2005 amd 2013 และ JRC-EURL ตามลำดับ ออกแบบการติดฉลากสีโพรบแต่ละยีน จากนั้นทดสอบหา สภาวะที่เหมาะสมในการทำปฏิกิริยาร่วมกัน ทดสอบความใช้ได้ของวิธีการตรวจวิเคราะห์ในแต่ละชนิดตัวอย่าง โดยพบว่าปฏิกิริยา Multiplex Real-Time PCR มีความจำเพาะในการตรวจยืนยันแต่ละชนิด โดยไม่พบ false positive หรือ false negative ขีดจำกัดการตรวจ (LOD) ยีนคัดกรองร้อยละ 0.01-0.1 และทุก ค่าพารามิเตอร์อยู่ในช่วงการยอมรับตามมาตรฐานการตรวจคัดกรองเชิงคุณภาพ ได้แก่ ประสิทธิภาพการทำ ปฏิกิริยา (PCR efficiency) ร้อยละ 99-115 ความเป็นเส้นตรง (Linearity,  $R^2$ )  $0.998 \pm 0.001$  และค่าความชัน (Slope) -3.1 ถึง -3.3 โดยวิธีทดสอบมีประสิทธิภาพ ช่วยลดขั้นตอนและระยะเวลาการตรวจร้อยละ 60.6 (จาก 5.46 วัน เหลือ 2.15 วัน) ลดต้นทุนค่าสารเคมีร้อยละ 26.4 จากการเข้าร่วมทดสอบความชำนาญ ห้องปฏิบัติการกับหน่วยงานระหว่างประเทศมีความถูกต้องทุกรายการทดสอบ สามารถขยายผลการตรวจคัดกรอง ครอบคลุมสินค้าพืชที่สำคัญ 4 ชนิด ได้แก่ ข้าวโพด ถั่วเหลือง ข้าว และมะละกอ รวมถึงผลิตภัณฑ์ของพืชดังกล่าว จากนั้นจัดทำเอกสารในระบบคุณภาพ ยื่นขยายขอบข่าย ผ่านการตรวจประเมินจนได้รับการรับรองวิธี Multiplex Real-Time PCR ในการตรวจคัดกรองพืชตัดแปลงพันธุกรรมตามมาตรฐาน ISO/IEC 17025 จากสำนักมาตรฐาน ห้องปฏิบัติการ กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์ เมื่อวันที่ 9 พฤศจิกายน 2561 นำวิธีทดสอบมาปรับปรุงกระบวนการ ตรวจวิเคราะห์งานบริการของห้องปฏิบัติการ ช่วยลดเวลาดำเนินการตามคู่มือประชาชนจาก 12 วันทำการ เป็น 7 วันทำการ ส่งเสริมการดำเนินงานภาครัฐตามมาตรการปรับปรุงประสิทธิภาพในการปฏิบัติราชการ

<sup>1</sup> สำนักวิจัยพัฒนาเทคโนโลยีชีวภาพ กรมวิชาการเกษตร

การพัฒนาวิธีตรวจสอบพืชตัดแปลงพันธุกรรมภาคสนามด้วยเทคนิค  
Loop-Mediated Isothermal Amplification  
Development for Field Examination of Genetically Modified Plant using  
Loop-Mediated Isothermal Amplification Techniques

ปิยรัตน์ ธรรมกิจวัฒน์<sup>1</sup> ปิยนุช ศรชัย<sup>1</sup> ฐิติรัตน์ อัครวมงคลศิริ<sup>1</sup> พงศกร สรรค์วิทยากุล<sup>1</sup>

บทคัดย่อ

กรมวิชาการเกษตร เป็นหน่วยงานรับผิดชอบกำกับดูแล ตาม พ.ร.บ. กักพืช พ.ศ. 2507 และที่แก้ไขเพิ่มเติม ประกาศให้พืชตัดแปลงพันธุกรรมเป็นสิ่งต้องห้าม ห้ามปลูก และห้ามนำเข้ายกเว้นเพื่อการศึกษาวิจัย แต่อนุญาตให้นำเข้าข้าวโพดและถั่วเหลืองตัดแปลงพันธุกรรมเพื่อการอุตสาหกรรม ซึ่งการค้าระหว่างประเทศอาจเกิดการหลุดลอดมาแพร่กระจายในพื้นที่เกษตร สำนักวิจัยพัฒนาเทคโนโลยีชีวภาพ มีภารกิจตรวจติดตามเฝ้าระวัง รวมถึงการตรวจรับรองแปลง GAP มะละกอซึ่งเป็นพืชควบคุมเฉพาะ ตัวอย่างจำนวนมากถูกส่งเข้าตรวจวิเคราะห์ในห้องปฏิบัติการ บางครั้งตัวอย่างพืชสดเกิดความเสียหายระหว่างการขนส่ง เพื่อเป็นการแก้ปัญหาดังกล่าว งานวิจัยนี้จึงมีวัตถุประสงค์เพื่อพัฒนาวิธีตรวจข้าวโพดตัดแปลงพันธุกรรม ด้วยเทคนิค Loop-Mediated Isothermal Amplification (LAMP) โดยการตรวจคัดกรองและตรวจจำแนกยีนพืชตัดแปลงพันธุกรรม ประกอบด้วย การทดสอบชุดไพรเมอร์ตรวจยีนคัดกรอง CaMV 35S promoter และ Nos terminator และชุดไพรเมอร์ตรวจจำแนกยีน Cry1Ab และ cp4epsps ทดสอบสถานะที่เหมาะสมในการทำปฏิกิริยาพีซีอาร์สังเคราะห์ยีนที่อุณหภูมิเดียว ใช้วัสดุอ้างอิงมาตรฐานข้าวโพดตัดแปลงพันธุกรรมสายพันธุ์ Mon810 BT11 BT176 NK603 MIR604 MIR162 Mon89034 และถั่วเหลืองตัดแปลงพันธุกรรม GTS40-3-2 ปฏิกิริยา LAMP ประกอบด้วย 2X Bst buffer, 0.4mM dNTPs, 0.5M Betaine, 0.2µM F3-B3 & FIP-BIP primers, 0.1µM Loop primers, 8 unit Bst polymerase, ดีเอ็นเอต้นแบบ 50-200 นาโนกรัม โดยการตรวจยีน CaMV 35S promoter Cry1Ab และ CP4 epsps ทำปฏิกิริยาพีซีอาร์เป็นเวลา 1 ชั่วโมง ที่อุณหภูมิ 60 61 และ 68 องศาเซลเซียส ตามลำดับ และ Nos terminator ทำปฏิกิริยาพีซีอาร์ที่ 55 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 2 ชั่วโมง จากนั้นตรวจผลโดยเติมสาร SYBR greenI ตัวอย่างที่มียีนพืชตัดแปลงพันธุกรรม หลอดของปฏิกิริยาจะเปลี่ยนสีจากส้มเป็นเขียวอมเหลือง โดยเทคนิค LAMP มีความไวในการเกิดปฏิกิริยาที่การปะปนร้อยละ 0.04 ซึ่งเป็นวิธีทดสอบที่มีขั้นตอนการตรวจวิเคราะห์ไม่ยุ่งยาก ไม่ต้องใช้เครื่องมือราคาแพง ใช้เวลาในการสกัดดีเอ็นเอจากตัวอย่างพืชอย่างง่าย 30-60 นาที ร่วมกับการตรวจด้วยปฏิกิริยา LAMP 1-2 ชั่วโมง สามารถอ่านผลวิเคราะห์ได้ทันที จึงเป็นวิธีที่เหมาะสมสำหรับใช้ตรวจเฝ้าระวังพืชตัดแปลงพันธุกรรม และพัฒนาเป็นชุดตรวจสอบในภาคสนามได้

---

<sup>1</sup> สำนักวิจัยพัฒนาเทคโนโลยีชีวภาพ กรมวิชาการเกษตร

การพัฒนาชุดตรวจสอบโปรตีน Cry1Ab ในข้าวโพดตัดแปลงพันธุกรรม  
Development Cry1Ab Protein Strip Kit for Genetically Modified Corn Detection

ปิยรัตน์ ธรรมกิจวัฒน์<sup>1</sup> พงศกร สรรค์วิทยากุล<sup>1</sup> ชนิษฐา วงศ์วัฒนารัตน์<sup>1</sup>

บทคัดย่อ

ข้าวโพดตัดแปลงพันธุกรรมสายพันธุ์ต้านทานแมลง ผ่านการประเมินความปลอดภัยทางชีวภาพและการอนุมัติใช้ประโยชน์เชิงพาณิชย์ตั้งแต่ปี พ.ศ. 2539 โดยการตัดต่อยีน *Cry1Ab* จากแบคทีเรีย *Bacillus thuringiensis* เข้าสู่พืชให้สร้างสารที่เป็นพิษต่อแมลง ทั้งนี้ประเทศไทยโดยอาศัยอำนาจ พ.ร.บ. กักพืช พ.ศ. 2507 และที่แก้ไขเพิ่มเติม ประกาศให้พืชตัดแปลงพันธุกรรม 31 ชนิด 51 สกุล และ 1 วงศ์ จากทุกแหล่งเป็นสิ่งต้องห้ามยกเว้นการนำเข้าข้าวโพดและถั่วเหลืองตัดแปลงพันธุกรรมเพื่อใช้สำหรับภาคอุตสาหกรรม งานวิจัยนี้จึงมีวัตถุประสงค์เพื่อพัฒนาชุดตรวจสอบโปรตีน Cry1Ab ในการตรวจสอบข้าวโพดตัดแปลงพันธุกรรมที่นำเข้าเพื่อเป็นวัตถุติด โดยการวิเคราะห์ลำดับเบสของยีน *Cry1Ab* จากฐานข้อมูล GenBank ขนาด 2457 นิวคลีโอไทด์ ทำการออกแบบไพรเมอร์ และโคลนยีนขนาด 1377 bp เข้าสู่เวกเตอร์ pET200 ถ่ายยีนเข้าแบคทีเรีย *Escherichia coli* สายพันธุ์ BL21 จากนั้นคัดเลือกโคลนแบคทีเรียมาเลี้ยงในอาหารเหลว LB และเหนี่ยวนำให้สังเคราะห์โปรตีน Cry1Ab ด้วย IPTG แล้วสกัดรีคอมบิแนนท์โปรตีน ทำให้บริสุทธิ์ผ่านคอลัมน์ Ni-NTA ตรวจสอบด้วย SDS-PAGE ได้โปรตีน Cry1Ab ขนาดประมาณ 51 kdal ใช้เป็นแอนติเจน ฉีดกระต่ายเพื่อกระตุ้นการสร้างแอนติซีรัม จำนวน 3 ครั้ง (อัตรา 1.5 และ 2 มิลลิกรัม/มิลลิลิตร ตามลำดับ) เจาะเก็บแอนติซีรัมทุกสัปดาห์รวม 9 ครั้ง ตรวจวัดค่าไตเตอร์สูงสุดได้ 1 : 204,800 จากนั้นสกัดแอนติบอดีชนิดอิมมูโนโกลบูลิน (IgG) แล้วเชื่อมต่อนุภาคทองคำ (Colloidal Gold) ขนาด 40 นาโนเมตร ด้วยวิธีการเชื่อมต่อแบบ nearly covalent ซึ่งให้พันธะของอนุภาคทองคำและ IgG มีความเสถียร พัฒนาเป็นชุดตรวจสอบโปรตีนบนแผ่นไนโตรเซลลูโลส โดยการพัน Colloidal Gold-IgG อัตรา 15 ไมโครลิตร/เซนติเมตร และขีดเส้นควบคุม (Control Line) ด้วย Goat anti-rabbit IgG 330 ไมโครกรัม/มิลลิลิตร และเส้นทดสอบ (Test line) ใช้โปรตีน Cry1Ab-IgG ความเข้มข้น 1 มิลลิกรัม/มิลลิลิตร อัตรา 3 ไมโครลิตร/เซนติเมตร ประกอบเป็นชุดตรวจสอบ Lateral Flow Strip test แล้วทดสอบปฏิกิริยาการตรวจโปรตีนด้วยรีคอมบิแนนท์โปรตีน Cry1Ab หลังหยดสารละลายตัวอย่างเป็นเวลา 5-10 นาที ตัวอย่างที่ตรวจพบโปรตีน Cry1Ab บริเวณเส้นทดสอบและเส้นควบคุมจะเกิดแถบสีม่วง โดยตัวอย่างที่ไม่มีโปรตีน Cry1Ab จะเกิดแถบสีม่วงเฉพาะเส้นควบคุม ซึ่งขีดจำกัดของชุดตรวจโปรตีนที่สามารถเกิดปฏิกิริยาได้ขั้นต่ำ 0.03 มิลลิกรัม เมื่อทดสอบการเก็บรักษาชุดตรวจสอบโปรตีนบรรจุในของอลูมิเนียมฟรอย์ปิดสนิท เก็บที่อุณหภูมิห้องและในตู้เย็น 4 องศาเซลเซียส สามารถเก็บได้เป็นเวลา 3 เดือน

<sup>1</sup> สำนักวิจัยพัฒนาเทคโนโลยีชีวภาพ กรมวิชาการเกษตร